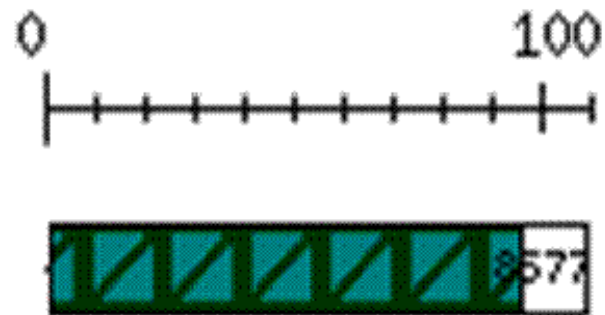


VirB3



	<u>Domain ID</u>	<u>BEGIN</u>	<u>END</u>	<u>Total ID</u>
1.	PD020461	1	95	28
2.	PD857742	66	108	5
3.	PD352959	19	95	7

	1	10	20	30	40	50	60	70	80	90	100																																																																																					
	-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----																																																																																															
050329_ECOLI(12-97)			PLFKGAT	R	L	P	T	I	--L	G	E	P	M	I	P	L	H	A	M	V	M	G	V	A	I	A	L	T	V	S	--I	H	W	A	L	V	P	L	W	F	I	M	A	Q	I	T	K	N	D	D	K	A	F	R	I	W	L	W	I	D	T	K	F	--R	N	R	N	K	G	F	M	G	A	S	S	Y	S	P																		
Q45391_BORPE(3-91)			D	P	L	F	K	G	C	T	R	P	A	M	L	--M	G	V	P	A	T	P	L	A	V	C	S	G	T	I	A	L	L	G	I	M	F	S	--I	A	F	L	A	L	F	P	V	A	L	L	A	M	R	I	M	I	R	R	D	D	Q	Q	F	R	L	I	W	L	Y	L	R	M	R	L	S	R	D	R	T	H	A	F	M	Q	S	T	V	Y	A	P						
Q91UQ7_RHIME(7-100)			M	Q	D	P	R	D	P	L	F	K	G	C	T	R	P	A	M	V	--F	G	V	P	L	V	L	A	V	S	G	V	V	I	L	L	S	V	W	T	--V	F	L	A	L	A	L	F	P	I	V	L	T	M	R	L	I	A	K	S	D	D	Q	Q	F	R	L	L	G	L	L	F	R	G	V	N	N	H	N	G	R	F	M	K	A	S	A	Y	S	P						
Q91UX5_ECOLI(9-101)			D	P	R	D	P	L	F	K	G	C	T	R	P	A	M	--F	G	V	P	L	V	L	A	V	S	G	V	V	I	L	L	S	V	W	T	--I	F	V	A	T	L	V	P	I	I	L	T	M	R	Q	I	A	K	S	D	D	Q	Q	F	R	L	L	G	L	L	F	R	G	V	N	N	H	N	A	K	F	M	K	A	S	A	Y	S	P										
Q9RPY2_BRUME(13-106)			A	G	Y	R	G	D	P	I	F	K	G	C	T	R	P	A	M	L	--F	G	V	P	V	I	P	L	V	I	V	G	G	S	I	V	L	L	S	V	M	I	S	--M	F	I	L	P	L	I	V	P	I	V	L	V	M	R	Q	I	T	Q	T	D	D	Q	H	F	R	L	L	G	L	K	A	Q	F	R	L	I	H	F	N	R	T	G	R	F	M	R	A	S	A	Y	S	P
Q8P7Y0_XANCP(4-67)			D	V	L	F	R	G	C	T	R	P	A	M	F	--L	G	V	P	Y	I	P	F	F	I	G	A	G	G	L	L	L	G	M	Y	F	N	--L	W	Y	L	L	T	I	P	V	I	I	F	V	M	Q	Q	V	A	K	R	D	E	H	I	F	R	L																																
Q8PJCO_XANAC(4-91)			D	V	L	F	R	G	C	T	R	P	A	M	F	--L	G	V	P	Y	I	P	F	F	I	G	A	G	G	L	L	L	G	M	Y	I	D	--L	W	Y	L	L	T	I	P	V	I	I	F	A	M	Q	Q	M	A	K	R	D	E	H	I	F	R	L	L	G	L	R	W	L	F	M	R	A	R	N	--L	Q	R	Y	S	G	H	M	V	F	S	P								
Q8RPM7_ANAPH(1-94)			M	S	G	S	V	K	A	D	Q	L	F	K	G	L	T	R	P	T	M	L	--F	G	V	S	Y	T	F	A	I	M	N	F	L	S	I	H	I	F	M	S	N	D	F	R	V	L	F	I	L	A	P	G	M	H	L	G	F	I	A	S	A	K	D	P	L	F	M	D	L	L	I	--I	R	N	Q	K	C	S	K	C	L	N	R	F	Y	H	N	S	Y					
Q8RPN3_EHRCH(1-94)			M	A	G	T	V	K	A	D	Q	L	F	K	G	L	T	R	P	T	M	L	--F	G	V	S	Y	I	F	A	M	L	N	F	M	I	C	I	H	I	F	M	Y	T	N	D	F	R	A	L	F	I	L	G	P	G	I	H	S	V	G	F	L	A	S	S	K	E	P	L	F	L	E	L	F	M	--L	R	N	K	K	C	S	K	C	L	N	R	F	Y	H	N	S			
Q92JC7_RICCN(1-93)			M	A	G	A	L	S	D	L	L	F	V	L	T	R	P	P	M	I	--F	G	V	S	I	K	F	A	L	N	M	I	N	T	H	I	V	F	I	M	N	G	I	M	L	F	I	A	--A	L	H	L	V	A	Y	I	C	F	K	E	P	R	F	I	E	L	Y	L	--N	K	M	S	R	T	S	Q	C	P	N	K	F	Y	G	A	N	S										
Q9A5M9_CAUCR(1-94)			M	S	G	P	--G	S	D	P	V	F	A	A	L	T	R	P	Q	M	V	--A	G	V	T	Y	S	Y	A	V	F	N	L	I	V	T	M	E	A	F	L	S	K	S	F	M	A	L	L	I	--A	P	L	V	H	A	V	G	L	G	C	L	N	E	P	R	F	D	L	W	I	--T	K	Y	S	R	C	P	N	I	R	N	R	G	F	M	Q	A	N	S						
Q9PHJ9_XYLFA(7-98)			D	Y	T	D	P	L	F	V	L	T	R	P	A	S	I	--L	G	I	P	Y	E	A	C	V	A	E	F	M	A	M	G	L	I	F	L	S	V	N	N	P	L	A	L	A	L	P	--M	H	A	V	L	Y	L	I	S	A	N	D	P	K	I	F	S	S	I	H	--M	W	L	K	T	N	G	R	C	N	F	L	M	R	A	S	S											
Q981S6_RHILO(17-101)			P	L	V	K	G	L	T	R	A	P	T	V	--L	G	I	P	Y	E	L	A	G	F	I	G	V	L	T	A	V	V	F	L	A	T	H	N	L	L	M	L	C	I	C	V	P	--L	Y	A	V	A	R	I	A	M	R	D	S	H	F	I	E	I	M	F	--I	R	S	R	K	T	P	P	--R	S	A	S	F	M	G	A	R	S												
Q9RLS2_LEGPN(3-93)			D	L	E	I	S	P	I	F	N	A	L	T	R	P	A	M	T	--A	G	V	T	F	E	Y	H	M	L	N	L	I	V	S	H	C	A	F	I	G	F	S	P	L	Y	G	L	I	F	I	P	--L	H	V	F	G	W	L	V	C	R	Y	D	H	F	F	T	I	C	A	--K	R	F	--L	L	P	E	A	P	N	T	S	L	M	R	V										
Q83UG8_PSEPU(12-96)			L	V	V	A	M	R	P	S	M	V	--G	P	F	T	L	S	S	I	L	I	S	L	I	T	P	V	L	A	L	L	L	R	S	L	Y	V	L	Y	T	M	P	I	L	F	A	A	Y	W	I	C	S	K	D	V	Y	L	F	G	V	L	R	A	A	F	K	L	R	---	S	R	L	R	K	L	W	G	Y																	
Q9R2I0_PSEPU(16-97)			A	M	A	R	P	S	M	V	--G	P	F	T	L	S	S	I	L	I	S	L	I	A	P	V	L	L	A	L	L	I	R	S	L	Y	P	L	G	L	I	P	V	L	F	V	I	S	Y	W	I	C	S	K	D	V	Y	L	F	G	V	L	Q	A	A	S																														
Q8PRI6_XANAC(16-98)			A	A	M	T	R	P	T	M	V	--G	G	L	T	L	A	S	L	A	M	S	F	Y	F	P	G	M	A	L	I	T	R	S	L	W	A	A	L	I	P	V	L	L	I	S	Y	L	V	C	L	K	D	V	Y	L	F	D	I	M	S	A	A	T	H	L	K	T	---	C	P	N	K	R	F	M	G																			
Q66283_AGRU(1-95)			M	N	D	R	L	E	E	A	T	L	Y	L	A	A	T	R	P	A	L	F	--L	G	V	P	L	T	L	A	G	L	F	M	F	A	G	F	V	I	V	I	V	Q	N	P	L	Y	E	V	L	L	P	L	W	F	G	A	R	L	V	Y	E	R	D	Y	N	A	A	S																										
Q93V31_AGRU(1-95)			M	N	D	R	L	E	E	A	T	L	Y	L	A	A	T	R	P	A	L	F	--L	G	V	P	L	T	L	A	G	L	L	V	M	F	A	G	F	V	I	V	I	V	Q	N	P	L	Y	E	V	L	L	P	L	W	F	G	A	R	L	V	Y	E	R	D	Y	N	A	A																										
VIB3_AGRU5(1-95)			M	N	D	R	L	E	E	A	T	L	Y	L	A	A	T	R	P	A	L	F	--L	G	V	P	L	T	L	A	G	L	L	V	M	F	A	G	F	V	I	V	I	V	Q	N	P	L	Y	E	V	L	L	P	L	W	F	G	A	R	L	V																																		
Q9R2G3_AGRU(1-65)			M	N	D	R	L	E	E	A	T	L	Y	L	A	A	T	R	P	A	L	F	--L	G	V	P	L	T	L	A	G	L	F	M	F	A	G	F	V	I	V	I	V	Q	N	P	L	Y	E	V	L	L	P	L	W	F	G	A	R	L	V																																			
VirB3(1-95)			M	N	D	R	L	E	E	A	T	L	Y	L	A	A	T	R	P	A	L	F	--L	G	V	P	L	T	L	A	G	L	F	M	F	A	G	F	V	I	V	I	V	Q	N	P	L	Y	E	V	L	L	P	L	W	F	G	A	R	L	V																																			
VIB3_AGRU(1-65)			M	N	D	R	L	E	E	A	T	L	Y	L	A	A	T	R	P	A	L	F	--L	G	V	P	L	T	L	A	G	L	F	M	F	A	G	F	V	I	V	I	V	Q	N	P	L	Y	E	V	L	L	P	L	W	F	G	A	R	L																																				
Q8KJL5_RHILO(1-65)			M	S	D	R	L	E	V	S	T	L	Y	V	A	A	T	R	P	A	L	F	--L	G	V	P	L	T	L	A	G	L	L	M	L	A	G	L	V	I	I	V	L	Q	N	P	L	Y	E	I	V	L	L	P	L	W	F	G	A	R	L																																			
Q8VTA0_AGRU(4-65)			D	L	E	E	A	T	L	Y	L	A	A	T	R	P	A	L	F	--F	G	V	P	L	T	L	A	G	L	F	M</																																																																	

	1	10	20	30	40	43
	-----+-----+-----+-----+-----					
Q8KJL5_RHILO(66-108)	Y	N	A	A	S	V
Q9R2G3_AGRTU(66-108)	Y	N	A	A	S	V
VirB3(66-108)	Y	N	A	A	S	V
VIB3_AGRTU(66-108)	Y	N	A	A	S	V
Q8VTA0_AGRTU(66-107)	Y	N	A	A	S	V
Q9F5A0_AGRRH(66-107)	Y	N	A	A	S	V
Consensus	Y	N	A	A	S	V

	1	10	20	30	40	50	60	70	80	89	
	-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----										
Q8GJ65_BBBBB(15-102)	M	F	A	G	V	T	H	E	A	M	A
Q8KQC2_BARQU(16-103)	F	A	G	V	T	H	E	G	M	A	L
Q9RND3_BARHE(1-89)	M	F	A	G	V	T	H	E	A	M	A
Q9S3N1_BARHE(15-103)	M	F	A	G	V	T	H	E	A	M	A
Q8KIN7_RHIET(21-106)	M	I	A	G	V	T	H	E	A	M	G
Q92YZ5_RHIME(1-86)	M	I	A	G	V	T	H	E	A	M	G
VirB3(19-95)	L	F	L	G	V	P	L	T	L	A	G
Q93DC2_AGRTU(22-107)	M	I	A	G	V	T	H	E	A	M	G
Consensus	m	f	a	g	v	t	h	e	a	m	a